

1. Absolventenfeier Bioinformatik

Bioinformatik München (BIM)

Ein gemeinsames Studienprogramm der

- Ludwig-Maximilians-Universität München (LMU)
- Technischen Universität München (TUM)

mit Unterstützung durch

- Max-Planck-Institut für Biochemie
- GSF Helmholtz Forschungszentrum für Umwelt und Gesundheit



8. Juli 2005

LMU



Ludwig-Maximilians-Universität München



TUM



Technische Universität München

LMU

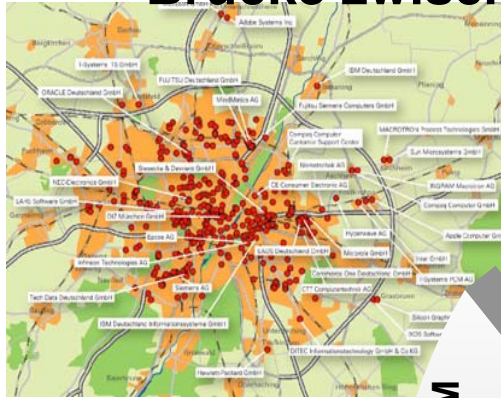
Prüfungsausschuss Bioinformatik München

1. Absolventenfeier

TUM

Bioinformatik

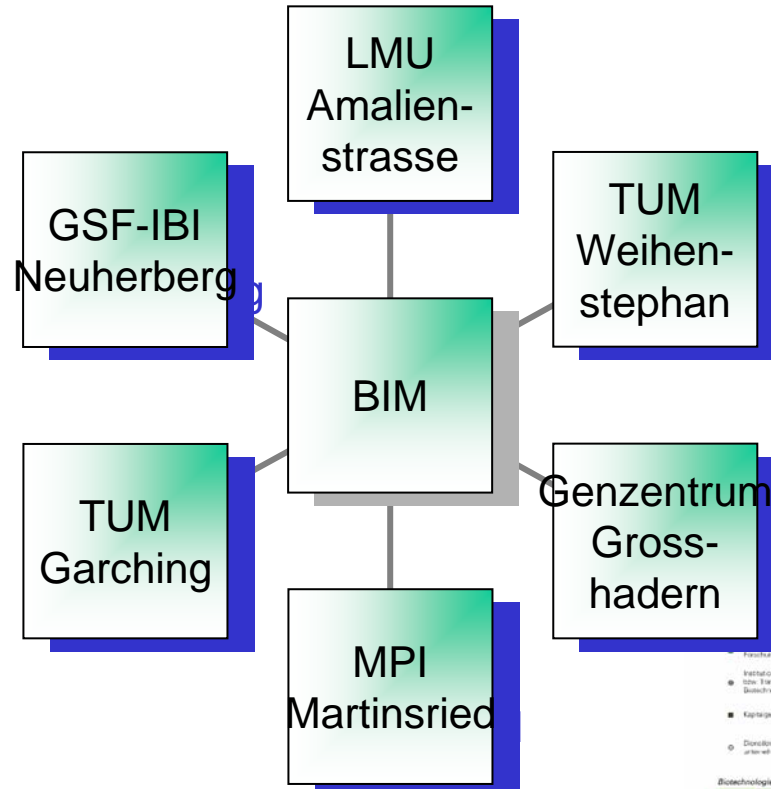
Brücke zwischen den Lebenswissenschaften und der Informatik



München Stadt des Wissens,
Referat für Arbeit und
Wirtschaft, 2002

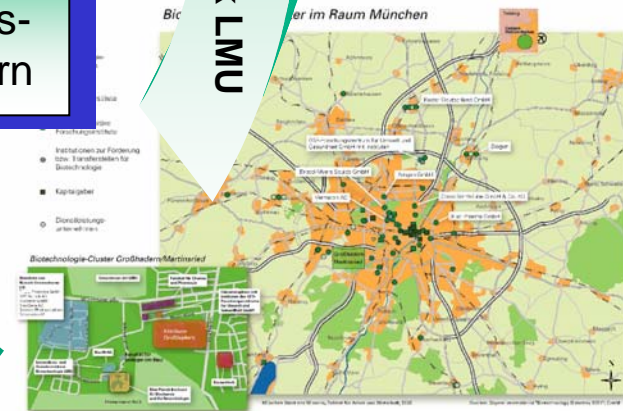
Informatik + Mathematik TUM

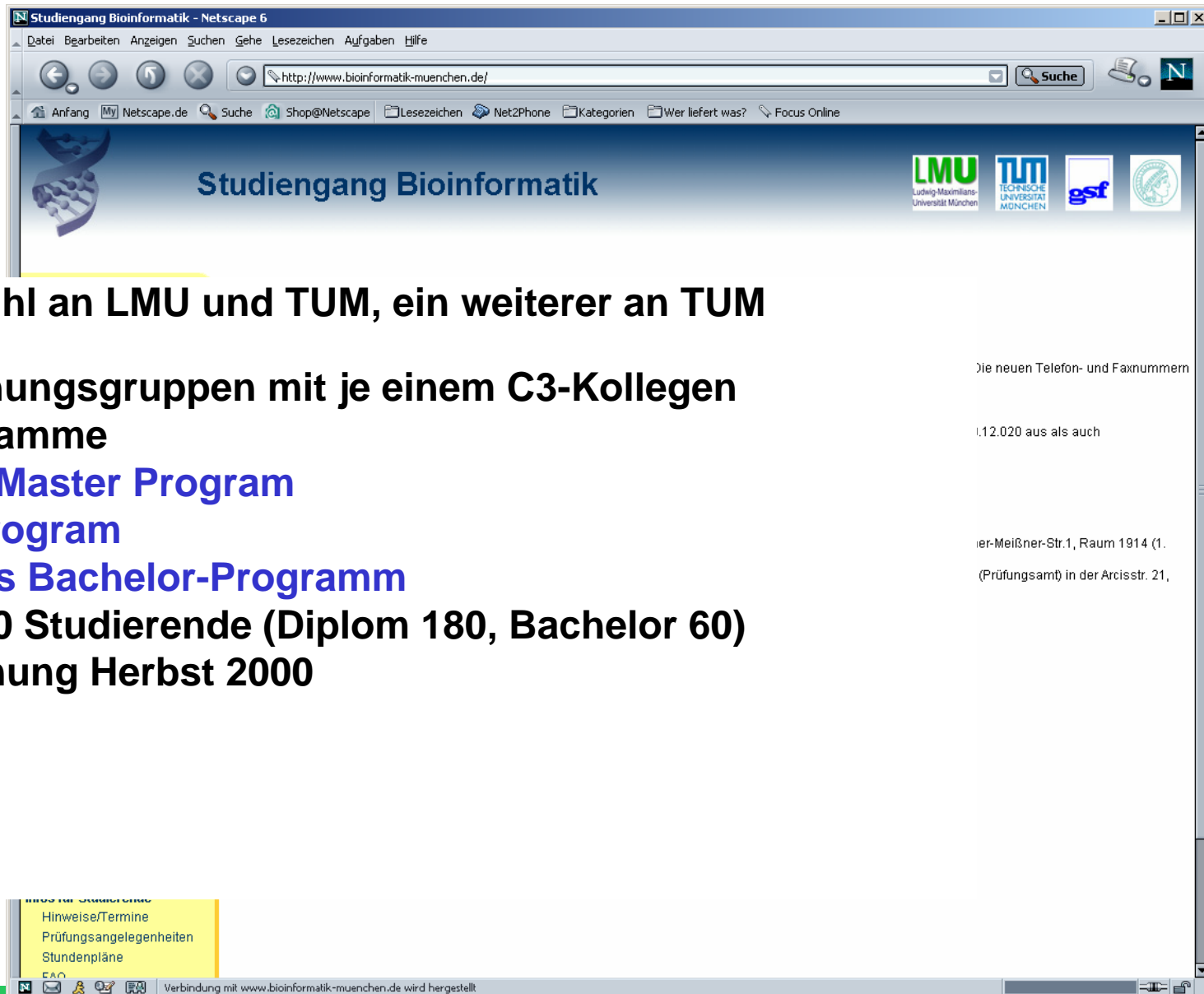
Biologie/Weihenstephan TUM



Informatik + Mathematik LMU

Biologie/Genzentrum LMU





- je ein Lehrstuhl an LMU und TUM, ein weiterer an TUM vorgesehen
- 3 DFG Forschungsgruppen mit je einem C3-Kollegen
- Studienprogramme
 - Bachelor/Master Program
 - Diplom Program
 - Verkürztes Bachelor-Programm
- aktuell ca. 250 Studierende (Diplom 180, Bachelor 60)
- Prüfungsordnung Herbst 2000
- EFV

Die neuen Telefon- und Faxnummern

112.020 aus als auch

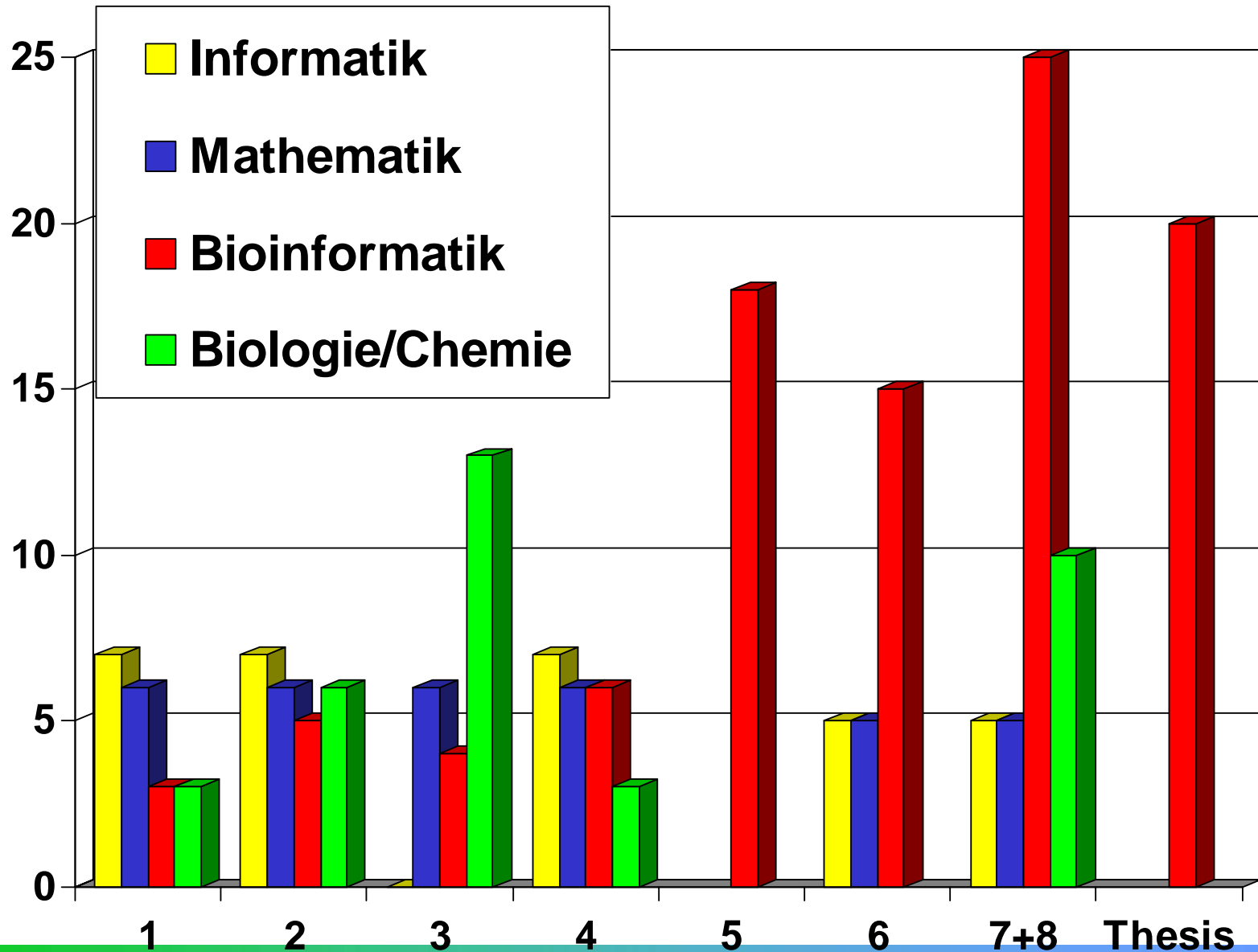
er-Meißner-Str.1, Raum 1914 (1.

(Prüfungsamt) in der Arcisstr. 21,

Curriculum, Vorlesungsplan

Sem.	Computer Science	Mathematics (LMU)	Mathematics (TU)	Bioinformatics	Biology/ Chemistry	Seminar	Pract. Course	SWS/ ECTS
1	Computer Science I 4L+3P / 9	Linear Algebra I 4L+2P / 8	Higher mathematics I 5L+2P / 10	Introduction Bioinformatics I 2L+1P / 4	Basic Biology 3L / 4			13L+6P=19 (LMU) 14L+6P=20 (TUM) 25 27
2	Computer Science II 4L+3P / 9	Linear Algebra II 4L+2P / 8	Higher Mathematics II 4L+2P / 8	Introduction Bioinformatics II 2L+1P / 4	Chemistry I/II 6L / 8	Proseminar in Bioinformatics 2S / 4		16L+6P+2S=24 33
3		Analysis I 4L+2P / 8	Discrete Structures I 4L+2P / 8		Molecular biology & biochemistry I 3L / 4		Bioinformatics 4Y / 8 Molec. biology & biochemistry 10Y / 10	7L+2P+14Y=23 30
4	Computer Science IV 4L+3P / 9	Analysis II and stochastics 4L+2P / 8	Discrete Structures II 3L+2P / 6	Algorithmic bioinformatics 4L+2P / 8	Molecular biology & biochemistry II 3L / 4			15L+7P=22 (LMU) 14L+7P=21 (TUM) 29 27
5	Data bases 3L+2P / 6	Selection of courses in bioinformatics, molecular biology or computer science 5 / 7		Algorithmic bioinformatics II 4L+2P / 8		Seminar in bioinformatics 2S / 4	Genome bioinformatics 10Y / 10	7L+4P+2S+10Y=23 28
6				Advanced bioinformatics 3L+2P / 6			Bachelor Thesis 10B / 10	3L+2P+10B+5=20 29 23
SWS/ ECTS	15L+11P=26 33	16L+8P+5=29 39	16L+8P+5=29 39	15L+8P=23 30	15L=15 20	4S=4 8	24Y+10B=34 38	131 168
7	Selection of courses							45
8								
9								20
SWS		10		45	10			45+20

Verteilung der Fachgebiete auf die Bereiche



**Computational
Genomics**

**Machine Learning
and Data Mining**

**Algorithmic
Bioinformatics**

**Genomic
Bioinformatics**

**BIM
Bioinformatics
Munich**

**Gene
Expression**

**Systematic Genome
Annotation**

**Biochemical
Networks**

**Structural
Genomics**

**Protein
Interactions**

**Gene
Regulation**

Bachelor

Gerick Fabian	Ein programmierbarer Web Service zur Charakterisierung biologischer Objekte
	Prof. Dr. R. Zimmer, Inst. f. Informatik, LMU
Hintermair Volker	Characterisation and Visualisation of Protein Families based on Multicriterial Clustering
	Prof. Dr. R. Zimmer, Inst. f. Informatik, LMU
Hopf Sonja	Einfluss fusogener Peptide auf die Fusion von Liposomenmembranen
	Prof. Dr. D. Langosch, Department Biowissenschaftliche Grundlagen, TUM

Master

Friedel Caroline Christina	On abstaining Classifiers
	Prof. Dr. S. Kramer, Inst. f. Informatik, TUM
Kirschner Andreas	Entwicklung einer neuartigen Methode zur Sekundärstrukturvorhersage basierend auf Techniken aus der künstlichen Intelligenz
	Prof. Dr. D. Frishman, Department Biowissenschaftliche Grundlagen, TUM

Diplom

Altmaier Elisabeth	Vorhersage der RNA-Struktur und kompensatorische Evolution in Introns
	Prof. Dr. W. Stephan, Department Biologie II, LMU
Birzele Fabian	Data Mining for Protein secondary structure prediction
	Prof. Dr. S. Kramer, Inst. f. Informatik, TUM
Brunner Achim	Kompensatorische Evolution in nicht-codierenden Nukleotid-Sequenzen
	Prof. Dr. W. Stephan, Department Biologie II, LMU

Diplom

Georgii Elisabeth	Quantitative Association Rules
	Prof. Dr. S. Kramer, Inst. f. Informatik, TUM
Maack Nina	Entwicklung einer Software zur Rekonstruktion neuronaler Anatomie aus Image-Stacks
	Prof. Dr. A. Borst, MPI für Neurobiologie
Schmidt Thorsten	Large-scale comparison of sequence and structure properties across protein datasets: application to structural genomics
	Prof. Dr. D. Frishman, Department Biowissenschaftliche Grundlagen, TUM

Diplom

Spreer Sabine	Dynamik von Insertionen und Deletionen in non-coding DNA: Eine Untersuchung am Modellorganismus <i>Drosophila melanogaster</i>
	Prof. Dr. W. Stephan, Department Biologie II, LMU
Zimek Arthur	Hierarchical Classification using Ensembles of nested Dichotomies
	Prof. Dr. S. Kramer, Inst. f. Informatik, TUM

Diplom 2004

Nowak Johannes	A New Indexing Method For Approximate Pattern Matching With One Mismatch
	Prof. Dr. E. W. Mayr, Inst. f. Informatik, TUM
Assfalg Johannes	Rotational Invariance for Similarity Models in 3D Protein, CAD, and Web Databases
	Prof. Dr. H.-P. Kriegel, Inst. f. Informatik, LMU

Diese Absolventen haben mit Auszeichnung abgeschlossen:

- **Friedel Caroline Christina (MSc)**
- **Altmaier Elisabeth (Diplom)**
- **Assfalg Johannes (Diplom)**
- **Birzele Fabian (Diplom)**
- **Maack Nina (Diplom)**
- **Nowak Johannes (Diplom)**
- **Schmidt Thorsten (Diplom)**
- **Zimek Arthur (Diplom)**

